

## pcDNA3.1-SARS-CoV-2-Spike-Myc

| 产品编号        | 产品名称                          | 包装    |
|-------------|-------------------------------|-------|
| D2945-1μg   | pcDNA3.1-SARS-CoV-2-Spike-Myc | 1μg   |
| D2945-100μg | pcDNA3.1-SARS-CoV-2-Spike-Myc | 100μg |

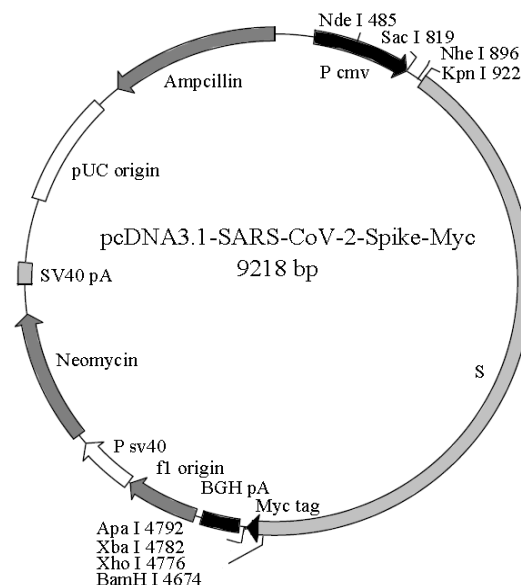
### 产品简介:

- pcDNA3.1-SARS-CoV-2-Spike-Myc是碧云天自行研发的包含了C端Myc标签序列和新冠病毒(SARS-CoV-2)纤突(Spike)蛋白基因序列的质粒。本产品哺乳动物细胞中的表达效果未经验证,仅确保质粒序列正确。本质粒为氨苄青霉素抗性。
- Spike蛋白(S蛋白)是冠状病毒的四个结构蛋白之一,为细胞表面糖蛋白(surface glycoprotein),由Spike基因编码,以同源三聚体的形式存在于冠状病毒刺突上,参与受体识别和膜融合等病毒感染过程。在结构上,Spike蛋白分为三个主要结构域:胞外区、跨膜区和胞内区,其中胞外区包括S1, S2两个结构域,S1结构域位于Spike蛋白N端,含有宿主受体结构域(receptor binding domain, RBD),SARS-CoV-2通过RBD与血管紧张素转换酶2(ACE2)的肽酶结构域(peptidase domain)结合,参与SARS-CoV-2病毒的感染。SARS-CoV-2 Spike蛋白与ACE2的亲合常数大约为15nM,是SARS-CoV Spike蛋白与ACE2的亲合常数的10-20倍<sup>[1]</sup>;S2结构域位于Spike蛋白的C端,由一段融合肽段与两个疏水螺旋重复区(HR1, HR2)组成,参与病毒感染的膜融合过程。Spike蛋白是冠状病毒疫苗、治疗性抗体和诊断方法的关键靶标。

- pcDNA3.1-SARS-CoV-2-Spike-Myc质粒的主要信息如下:

| Feature                                | Nucleotide | Position  |
|--|------------|-----------|
| CMV promoter                           |            | 232-819   |
| T7 promoter and T7 primer binding site |            | 863-882   |
| Multiple cloning site                  |            | 895-922   |
| Spike protein                          |            | 923-4741  |
| Myc-tag                                |            | 4742-4771 |
| BGH pA                                 |            | 4812-5042 |
| f1 origin of ss-DNA replication        |            | 5088-5516 |
| SV40 promoter                          |            | 5521-5864 |
| Neomycin resistance ORF                |            | 5926-6720 |
| SV40 polyA signal                      |            | 6894-7024 |
| pUC origin                             |            | 7407-8077 |
| Ampicillin resistance ORF              |            | 8222-9218 |
| bla promoter                           |            | 9117-9123 |

- pcDNA3.1-SARS-CoV-2-Spike-Myc质粒(9218bp)的图谱如下:



- pcDNA3.1-SARS-CoV-2-Spike-Myc的多克隆位点的详细图谱如下:

|      | NheI                       | HindIII                   | KpnI                     | Spike Protein             |                           |
|------|----------------------------|---------------------------|--------------------------|---------------------------|---------------------------|
| 895  | GCTAGCGTTT<br>CGATCGCAAA   | AAACTTAAGC<br>TTTGAATTTCG | TTGGTACCAT<br>AACCATGGTA | GTTTGTTTTT<br>CAAACAAAAA  | CTTGTTTTAT<br>GAACAAAATA  |
| 945  | TGCCACTAGT<br>ACGGTGATCA   | CTCTAGTCAG<br>GAGATCAGTC  | TGTGTTAATC<br>ACACAATTAG | TTACAACCAG<br>AATGTTGGTC  | AACTCAATTA<br>TTGAGTTAAT  |
| 995  | CCCCCTGCAT<br>GGGGGACGTA   | ACACTAATTC<br>TGTGATTAAG  | TTTCACACGT<br>AAAGTGTGCA | GGTGTTTATT<br>CCACAAATAA  | ACCCTGACAA<br>TGGGACTGTT  |
| 1045 | AGTTTTTCAGA<br>TCAAAAAGTCT | TCCTCAGTTT<br>AGGAGTCAAA  | TACATTCAAC<br>ATGTAAGTTG | TCAGGACTTG<br>AGTCTGAAAC  | TTCTTACCTT<br>AAGAATGGAA  |
| 1095 | TCTTTTCCAA<br>AGAAAAGGTT   | TGTTACTTGG<br>ACAATGAACC  | TTCCATGCTA<br>AAGGTACGAT | TACATGTCTC<br>ATGTACAGAG  | TGGGACCAAT<br>ACCCTGGTTA  |
| 1145 | GGTACTAAGA<br>CCATGATTCT   | GGTTTGATAA<br>CCAAACTATT  | CCCTGTCCTA<br>GGGACAGGAT | CCATTTAATG<br>GGTAAATTAC  | ATGGTGTTTA<br>TACCACAAAT  |
| 1195 | TTTTGCTTCC<br>AAAACGAAGG   | ACTGAGAAGT<br>TGACTCTTCA  | CTAACATAAT<br>GATTGTATTA | AAGAGGCTGG<br>TTCTCCGACC  | ATTTTTGGTA<br>TAAAAACCAT  |
| 1245 | CTACTTTAGA<br>GATGAAATCT   | TTCGAAGACC<br>AAGCTTCTGG  | CAGTCCCTAC<br>GTCAGGGATG | TTATTGTTAA<br>AATAACAATT  | TAACGCTACT<br>ATTGCGATGA  |
| 1295 | AATGTTGTTA<br>TTACAACAAT   | TTAAAGTCTG<br>AATTTAGAC   | TGAATTTCAA<br>ACTTAAAGTT | TTTTGTAATG<br>AAAACATTAC  | ATCCATTTTT<br>TAGGTAAAAA  |
| 1345 | GGGTGTTTAT<br>CCCACAAATA   | TACCACAAAA<br>ATGGTGTTTT  | ACAACAAAAG<br>TGTTGTTTTC | TTGGATGGAA<br>AACCTACCTT  | AGTGAGTTCA<br>TCACTCAAGT  |
| 1395 | GAGTTTATTC<br>CTCAAATAAG   | TAGTGCGAAT<br>ATCACGCTTA  | AATTGCACTT<br>TTAACGTGAA | TTGAATATGT<br>AACTTATACA  | CTCTCAGCCT<br>GAGAGTCGGA  |
| 1445 | TTTCTTATGG<br>AAAGAATACC   | ACCTTGAAGG<br>TGGAACTTCC  | AAAACAGGGT<br>TTTTGTCCCA | AATTTCAAAA<br>TTAAAGTTTT  | ATCTTAGGGA<br>TAGAATCCCT  |
| 1495 | ATTTGTGTTT<br>TAAACACAAA   | AAGAATATTG<br>TTCTTATAAC  | ATGGTTATTT<br>TACCAATAAA | TAAAAATATAT<br>ATTTTATATA | TCTAAGCACA<br>AGATTCTGTGT |
| 1545 | CGCCTATTAA<br>GCGGATAAAT   | TTTAGTGCCT<br>AAATCACGCA  | GATCTCCCTC<br>CTAGAGGGAG | AGGGTTTTTC<br>TCCCAAAAAG  | GGCTTTAGAA<br>CCGAAATCTT  |
| 1595 | CCATTGGTAG<br>GGTAACCATC   | ATTTGCCAAT<br>TAAACGGTTA  | AGGTATTAAC<br>TCCATAATTG | ATCACTAGGT<br>TAGTGATCCA  | TTCAAACTTT<br>AAGTTTGAAA  |
| 1645 | ACTTGCTTTA<br>TGAACGAAAT   | CATAGAAGTT<br>GTATCTTCAA  | ATTTGACTCC<br>TAAACTGAGG | TGGTGATTCT<br>ACCACTAAGA  | TCTTCAGGTT<br>AGAAGTCCAA  |
| 1695 | GGACAGCTGG<br>CCTGTGCGACC  | TGCTGCAGCT<br>ACGACGTCGA  | TATTATGTGG<br>ATAATACACC | GTTATCTTCA<br>CAATAGAAGT  | ACCTAGGACT<br>TGGATCCTGA  |
| 1745 | TTTCTATTAA<br>AAAGATAAAT   | AATATAATGA<br>TTATATTACT  | AAATGGAACC<br>TTTACCTTGG | ATTACAGATG<br>TAATGTCTAC  | CTGTAGACTG<br>GACATCTGAC  |
| 1795 | TGCACTTGAC<br>ACGTGAACTG   | CCTCTCTCAG<br>GGAGAGAGTC  | AAACAAAGTG<br>TTTGTTCAC  | TACGTTGAAA<br>ATGCAACTTT  | TCCTTCACTG<br>AGGAAGTGAC  |
| 1845 | TAGAAAAAGG<br>ATCTTTTTTCC  | AATCTATCAA<br>TTAGATAGTT  | ACTTCTAACT<br>TGAAGATTGA | TTAGAGTCCA<br>AATCTCAGGT  | ACCAACAGAA<br>TGGTTGTCTT  |
| 1895 | TCTATTGTTA<br>AGATAACAAT   | GATTTCTTAA<br>CTAAAGGATT  | TATTACAAAC<br>ATAATGTTTG | TTGTGCCCTT<br>AACACGGGAA  | TTGGTGAAGT<br>AACCACTTCA  |
| 1945 | TTTTAACGCC<br>AAAATTGCGG   | ACCAGATTTG<br>TGGTCTAAAC  | CATCTGTTTA<br>GTAGACAAAT | TGCTTGGAAC<br>ACGAACCTTG  | AGGAAGAGAA<br>TCCTTCTCTT  |
| 1995 | TCAGCAACTG                 | TGTTGCTGAT                | TATTCTGTCC               | TATATAATTC                | CGCATCATTT                |

AGTCGTTGAC ACAACGACTA ATAAGACAGG ATATATTAAG GCGTAGTAAA  
 2045 TCCACTTTTA AGTGTATATGG AGTGTCTCCT ACTAAAATTAA ATGATCTCTG  
 AGGTGAAAAT TCACAATACC TCACAGAGGA TGATTTAATT TACTAGAGAC  
 2095 CTTTACTAAT GTCTATGCAG ATTCATTTGT AATTAGAGGT GATGAAGTCA  
 GAAATGATTA CAGATACGTC TAAGTAAACA TTAATCTCCA CTACTTCAGT  
 2145 GACAAATCGC TCCAGGGCAA ACTGGAAAGA TTGCTGATTA TAATTATAAA  
 CTGTTTAGCG AGGTCCCCTT TGACCTTCTT AACGACTAAT ATTAATATTT  
 2195 TTACCAGATG ATTTTACAGG CTGCGTTATA GCTTGAATT CTAACAATCT  
 AATGGTCTAC TAAAATGTCC GACGCAATAT CGAACCTTAA GATTGTTAGA  
 2245 TGATTCTAAG GTTGGTGGTA ATTATAATTA CCTGTATAGA TTGTTTAGGA  
 ACTAAGATTC CAACCACCAT TAATATTAAT GGACATATCT AACAAATCCT  
 2295 AGTCTAATCT CAAACCTTTT GAGAGAGATA TTTCAACTGA AATCTATCAG  
 TCAGATTAGA GTTTGGAAAA CTCTCTCTAT AAAGTTGACT TTAGATAGTC  
 2345 GCCGGTAGCA CACCTTGTA TGGTGTGAA GGTTTTAATT GTTACTTTCC  
 CGGCCATCGT GTGGAACATT ACCACAACCT CAAAATTAA CAATGAAAGG  
 2395 TTTACAATCA TATGGTTTCC AACCCACTAA TGGTGTGGT TACCAACCAT  
 AAATGTTAGT ATACCAAAGG TTGGGTGATT ACCACAACCA ATGTTGGTA  
 2445 ACAGAGTAGT AGTACTTTCT TTTGAACTTC TACATGCACC AGCAACTGTT  
 TGTCTCATCA TCATGAAAGA AAACCTGAAG ATGTACGTGG TCGTTGACAA  
 2495 TGTGGACCTA AAAAGTCTAC TAATTTGGTT AAAAACAAAT GTGTCAATTT  
 ACACCTGGAT TTTTCAGATG ATTAACCAA TTTTGTGTTA CACAGTTAAA  
 2545 CAACTTCAAT GGTTTAACAG GCACAGGTGT TCTTACTGAG TCTAACAAAA  
 GTTGAAGTTA CCAAATTGTC CGTGTCCACA AGAATGACTC AGATTGTTTT  
 2595 AGTTTCTGCC TTTCCAACAA TTTGGCAGAG ACATTGCTGA CACTACTGAT  
 TCAAAGACGG AAAGGTTGTT AAACCGTCTC TGTAACGACT GTGATGACTA  
 2645 GCTGTCCGTG ATCCACAGAC ACTTGAGATT CTTGACATTA CACCATGTTT  
 CGACAGGCAC TAGGTGTCTG TGAACCTAA GAACTGTAAT GTGGTACAAG  
 2695 TTTTGGTGGT GTCAGTGTTA TAACACCAGG AACAAATACT TCTAACCCAGG  
 AAAACCACCA CAGTCACAAT ATTGTGGTCC TTGTTTATGA AGATTGGTCC  
 2745 TTGCTGTTCT TTATCAGGAT GTTAACTGCA CAGAAGTCCC TGTTGCTATT  
 AACGACAAGA AATAGTCCCTA CAATTGACGT GTCTTCAGGG ACAACGATAA  
 2795 CATGCAGATC AACTTACTCC TACTTGGCGT GTTATTTCTA CAGGTTCTAA  
 GTACGTCTAG TTGAATGAGG ATGAACCGCA CAAATAAGAT GTCCAAGATT  
 2845 TGTTTTTCAA ACACGTGCAG GCTGTTTAAAT AGGGGCTGAA CATGTCAACA  
 ACAAAAAGTT TGTGCACGTC CGACAAATTA TCCCCGACTT GTACAGTTGT  
 2895 ACTCATATGA GTGTGACATA CCCATTGGTG CAGGTATATG CGCTAGTTAT  
 TGAGTATACT CACACTGTAT GGGTAACCAC GTCCATATAC GCGATCAATA  
 2945 CAGACTCAGA CTAATTCTCC TCGGCGGGCA CGTAGTGTAG CTAGTCAATC  
 GTCTGAGTCT GATTAAGAGG AGCCGGCCGT ACATCACATC GATCAGTTAG  
 2995 CATCATTGCC TACACTATGT CACTTGGTGC AGAAAATTCA GTTGCTTACT  
 GTAGTAACGG ATGTGATACA GTGAACCACG TCTTTTAAAGT CAACGAATGA  
 3045 CTAATAACTC TATTGCCATA CCCACAAATT TTAATAATTAG TGTTACCACA  
 GATTATTGAG ATAACGGTAT GGGTGTTTAA AATGATAATC ACAATGGTGT  
 3095 GAAATCTTAC CAGTGTCTAT GACCAAGACA TCAGTAGATT GTACAATGTA  
 CTTTAAGATG GTCACAGATA CTGGTTCTGT AGTCATCTAA CATGTTACAT  
 3145 CATTTGTGGT GATTCAACTG AATGCAGCAA TCTTTTGTG CAATATGGCA

GTAAACACCA CTAAGTTGAC TTACGTCGTT AGAAAACAAC GTTATACCGT  
 3195 GTTTTTGTAC ACAATTA AAC CGTGCTTTAA CTGGAATAGC TGTTGAACAA  
 CAAAAACATG TGTTAATTTG GCACGAAATT GACCTTATCG ACAACTTGTT  
 3245 GACAAAAACA CCCAAGAAGT TTTTGCACAA GTCAAACAAA TTTACAAAAC  
 CTGTTTTTGT GGGTCTTCA AAAACGTGTT CAGTTTGT TT AAATGTTTTG  
 3295 ACCACCAATT AAAGATTTTG GTGGTTTTAA TTTTTCACAA ATATTACCAG  
 TGGTGGTTAA TTTCTAAAAC CACCAAATT AAAAAGTGTT TATAATGGTC  
 3345 ATCCATCAAA ACCAAGCAAG AGGTCATTTA TTGAAGATCT ACTTTTCAAC  
 TAGGTAGTTT TGGTTCGTTTCCAGTAAAT AACTTCTAGA TGAAAAGTTG  
 3395 AAAGTGACAC TTGCAGATGC TGGCTTCATC AAACAATATG GTGATTGCCT  
 TTTCACTGTG AACGTCTACG ACCGAAGTAG TTTGTTATAC CACTAACGGA  
 3445 TGGTGATATT GCTGCTAGAG ACCTCATTTG TGCACAAAAG TTTAACGGCC  
 ACCACTATAA CGACGATCTC TGGAGTAAAC ACGTGTTTTC AAATTGCCGG  
 3495 TTACTGTTTT GCCACCTTTG CTCACAGATG AAATGATTGC TCAATACACT  
 AATGACAAAA CGGTGGAAAC GAGTGTCTAC TTACTAACG AGTTATGTGA  
 3545 TCTGCACTGT TAGCGGGTAC AATCACTTCT GGTGGACCT TTGGTGCAGG  
 AGACGTGACA ATCGCCCATG TTAGTGAAGA CCAACCTGGA AACCACGTCC  
 3595 TGCTGCATTA CAAATACCAT TTGCTATGCA AATGGCTTAT AGGTTTAATG  
 ACGACGTAAT GTTTATGGTA AACGATACGT TTACCGAATA TCCAAATTAC  
 3645 GTATTGGAGT TACACAGAAT GTTCTCTATG AGAACAAAA ATTGATTGCC  
 CATAACCTCA ATGTGTCTTA CAAGAGATAC TCTTGGTTTT TAACTAACGG  
 3695 AACCAATTTAA TAGTGCTATT GGCAAAATTC AAGACTCACT TTCTTCCAC  
 TTGGTTAAATT ATCACGATAA CCGTTTTAAG TTCTGAGTGA AAGAAGGTG  
 3745 AGCAAGTGCA CTTGGAAAAC TTCAAGATGT GGTC AACCAA AATGCACAAG  
 TCGTTCACGT GAACCTTTTG AAGTTCTACA CCAGTTGGTT TTACGTGTTT  
 3795 CTTTAAACAC GCTTGTTAAA CAACTTAGCT CCAATTTTGG TGCAATTTCA  
 GAAATTTGTG CGAACAATTT GTTGAATCGA GGTAAAACC ACGTTAAAGT  
 3845 AGTGTTTTTAA ATGATATCCT TTCACGTCTT GACAAAAGTTG AGGCTGAAGT  
 TCACAAAATT TACTATAGGA AAGTGCAGAA CTGTTTCAAC TCCGACTTCA  
 3895 GCAAATTGAT AGGTTGATCA CAGGCAGACT TCAAAGTTTG CAGACATATG  
 CGTTTAACTA TCCAAGTAGT GTCCGTCTGA AGTTTCAAAC GTCTGTATAC  
 3945 TGA CTCAACA ATTAATTAGA GCTGCAGAAA TCAGAGCTTC TGCTAATCTT  
 ACTGAGTTGT TAATTAATCT CGACGTCTTT AGTCTCGAAG ACGATTAGAA  
 3995 GCTGCTACTA AAATGTCAGA GTGTGTACTT GGACAATCAA AAAGAGTTGA  
 CGACGATGAT TTTACAGTCT CACACATGAA CCTGTTAGTT TTTCTCAACT  
 4045 TTTTTGTGGA AAGGGCTATC ATCTTATGTC CTCCCTCAG TCAGCACCTC  
 AAAAACACCT TTCCCGATAG TAGAATACAG GAAGGGAGTC AGTCGTGGAG  
 4095 ATGGTGTAGT CTTCTTGCAT GTGACTTATG TCCCTGCACA AGAAAAGAAC  
 TACCACATCA GAAGAACGTA CACTGAATAC AGGGACGTGT TCTTTTCTTG  
 4145 TTCACAAC TG CTTCTGCCAT TTGTCATGAT GGAAAAGCAC ACTTTCCTCG  
 AAGTGTGTTGAC GAGGACGGTA AACAGTACTA CCTTTTCGTG TGAAAGGAGC  
 4195 TGAAGGTGTC TTTGTTTCAA ATGGCACACA CTGGTTTGTA ACACAAAGGA  
 ACTTCCACAG AAACAAAGTT TACCGTGTGT GACCAAACAT TGTGTTTCTT  
 4245 ATTTTTATGA ACCACAAATC ATTACTACAG ACAACACATT TGTGTCTGGT  
 TAAAAATACT TGGTGTTTAG TAATGATGTC TGTGTGTGTA ACACAGACCA  
 4295 AACTGTGATG TTGTAATAGG AATTGTCAAC AACACAGTTT ATGATCCTTT

TTGACACTAC AACATTATCC TTAACAGTTG TTGTGTCAA TACTAGGAAA

4345 GCAACCTGAA TTAGACTCAT TCAAGGAGGA GTTAGATAAA TATTTTAAGA  
CGTTGGACTT AATCTGAGTA AGTTCCTCCT CAATCTATTT ATAAAATTCT

4395 ATCATAACATC ACCAGATGTT GATTTAGGTG ACATCTCTGG CATTAAATGCT  
TAGTATGTAG TGGTCTACAA CTAAATCCAC TGTAGAGACC GTAATTACGA

4445 TCAGTTGTAA ACATTCAAAA AGAAATTGAC CGCCTCAATG AGGTTGCCAA  
AGTCAACATT TGTAAGTTTT TCTTTAACTG GCGGAGTTAC TCCAACGGTT

4495 GAATTTAAAT GAATCTCTCA TCGATCTCCA AGAACTTGGG AAGTATGAGC  
CTTAAATTTA CTTAGAGAGT AGCTAGAGGT TCTTGAACCT TTCATACTCG

4545 AGTATATAAA ATGGCCATGG TACATTTGGC TAGGTTTTAT AGCTGGCTTG  
TCATATATTT TACCGGTACC ATGTAAACCG ATCCAAAATA TCGACCGAAC

4595 ATTGCCATAG TAATGGTGAC AATTATGCTT TGCTGTATGA CCAGTTGCTG  
TAACGGTATC ATTACCACTG TTAATACGAA ACGACATACT GGTCAACGAC

4645 TAGTTGTCTC AAGGGCTGTT GTTCTTGTGG ATCCTGCTGC AAATTTGATG  
ATCAACAGAG TTCCCGACAA CAAGAACACC TAGGACGACG TTTAAACTAC

Myc  
E

4695 AAGACGACTC TGAGCCAGTG CTCAAAGGAG TCAAATTACA TTACACAGAG  
TTCTGCTGAG ACTCGGTCAC GAGTTTCCTC AGTTTAATGT AATGTGTCTC  
tag

Q K L I S E E D L XhoI XbaI ApaI

4745 CAGAACTCA TCTCTGAAGA GGATCTGTAA CTCGAGTCTA GAGGGCCCGT  
GTCTTTGAGT AGAGACTTCT CCTAGACATT GAGCTCAGAT CTCCCGGGCA

4795 TTA  
AAT

➤ pcDNA3.1-SARS-CoV-2-Spike-Myc中没有的酶切位点(Restriction enzymes that do not cut pcDNA3.1-SARS-CoV-2-Spike-Myc)包括:

|       |       |       |       |      |       |      |
|-------|-------|-------|-------|------|-------|------|
| AfeI  | AgeI  | AscI  | AsiSI | BaeI | BbvCI | BlpI |
| BsiWI | BsmBI | BspEI | Esp3I | FseI | NotI  | PacI |
| PflMI | PpuMI | SacII | SbfI  | SfiI | SgrAI | SrfI |

➤ pcDNA3.1-SARS-CoV-2-Spike-Myc中的单酶切位点 (Restriction enzymes that cut pcDNA3.1-SARS-CoV-2-Spike-Myc) 包括:

|          |   |      |        |             |      |
|----------|---|------|--------|-------------|------|
| Acc65I   | G`GTAC,C  | 917  | KpnI   | G,GTAC`C    | 921  |
| AflIII   | C`TTAA,G  | 908  | MfeI   | C`AATT,G    | 161  |
| AhdI     | GACNN,N`NNGTC   | 8295 | MluI   | A`CGCG,T    | 228  |
| AleI     | CACNN NNGTG   | 4283 | NarI   | GG`CG,CC    | 6054 |
| ApaI     | G,GGCC`C  | 4791 | NheI   | G`CTAG,C    | 895  |
| BamHI    | G`GATC,C  | 4673 | NruI   | TCG CGA     | 208  |
| BcgI     | ,NN`(N) <sub>10</sub> CGA(N) <sub>6</sub> TGC(N) <sub>10</sub> ,NN` | 8800 | Paer7I | C`TCGA,G    | 4775 |
| BmgBI    | CAC GTC   | 3869 | PluTI  | G,CGCG`C    | 6057 |
| BmtI     | G,CTAG`C  | 899  | PshAI  | GACNN NNGTC | 4121 |
| Bpu10I   | CC`TNA,GC   | 180  | PspOMI | G`GGCC,C    | 4787 |
| BspDI    | AT`CG,AT  | 4515 | PspXI  | VC`TCGA,GB  | 4775 |
| BssHII   | G`CGCG,C  | 6451 | PvuI   | CG,AT`CG    | 8665 |
| BstEII   | G`GTNAC,C   | 2432 | RsrII  | CG`GWC,CG   | 6570 |
| BstZ17   | GTA TAC   | 7026 | SacI   | G,AGCT`C    | 818  |
| Bsu36I   | CC`TNA,GG   | 1572 | SfoI   | GGC GCC     | 6055 |
| ClaI     | AT`CG,AT  | 4515 | SmaI   | CCC GGG     | 5867 |
| EagI     | C`GGCC,G  | 5960 | SnaBI  | TAC GTA     | 590  |
| Eco53kI  | GAG CTC   | 816  | StuI   | AGG CCT     | 5843 |
| EcoO109I | RG`GNC,CY   | 4787 | SwaI   | ATTT AAAT   | 4500 |
| EcoRI    | G`AATT,C  | 2230 | TspMI  | C`CCGG,G    | 5865 |
| EcoRV    | GAT ATC   | 3859 | XbaI   | T`CTAG,A    | 4781 |
| HpaI     | GTT AAC   | 2767 | XhoI   | C`TCGA,G    | 4775 |
| KasI     | G`GCGC,C  | 6053 | XmaI   | C`CCGG,G    | 5865 |

➤ pcDNA3.1-SARS-CoV-2-Spike-Myc质粒中推荐使用的测序引物序列如下:

pcDNA3.1 primer (829-848): 5'- CTAGAGAACCCACTGCTTAC -3'

BGH pA primer (4812-4829): 5'- TAGAAGGCACAGTCGAGG -3'

➤ pcDNA3.1-SARS-CoV-2-Spike-Myc的全序列信息请参考碧云天的网站上该质粒的信息。

#### 包装清单:

| 产品编号        | 产品名称                          | 包装    |
|-------------|-------------------------------|-------|
| D2945-1μg   | pcDNA3.1-SARS-CoV-2-Spike-Myc | 1μg   |
| D2945-100μg | pcDNA3.1-SARS-CoV-2-Spike-Myc | 100μg |
| —           | 说明书                           | 1份    |

#### 保存条件:

-20°C保存。

#### 注意事项:

- 本质粒未经碧云天书面许可不得用于任何商业用途，也不得移交给订货人所在实验室外的任何个人或单位。
- 本产品仅限于专业人员的科学研究用，不得用于临床诊断或治疗，不得用于食品或药品，不得存放于普通住宅内。
- 为了您的安全和健康，请穿实验服并戴一次性手套操作。

#### 使用说明:

1. 首次使用1μg包装的本产品时，请先取少量本质粒转化大肠杆菌，进行质粒小量、中量或大量抽提后再用于后续用途。抽提获得的质粒可以通过酶切电泳进行鉴定，或通过测序进行鉴定。
2. 100μg包装的本产品质粒浓度为0.1μg/μl，共1ml。可以直接用于酶切或者转染细胞。

#### 相关产品:

| 产品编号        | 产品名称                           | 包装    |
|-------------|--------------------------------|-------|
| D2941-1μg   | pcDNA3.1-SARS-CoV-2-M-Myc      | 1μg   |
| D2941-100μg | pcDNA3.1-SARS-CoV-2-M-Myc      | 100μg |
| D2943-1μg   | pcDNA3.1-SARS-CoV-2-N-Myc      | 1μg   |
| D2943-100μg | pcDNA3.1-SARS-CoV-2-N-Myc      | 100μg |
| D2945-1μg   | pcDNA3.1-SARS-CoV-2-Spike-Myc  | 1μg   |
| D2945-100μg | pcDNA3.1-SARS-CoV-2-Spike-Myc  | 100μg |
| D2947-1μg   | pCMV-SARS-CoV-2-E-Myc          | 1μg   |
| D2947-100μg | pCMV-SARS-CoV-2-E-Myc          | 100μg |
| D2949-1μg   | pcDNA3.1-ACE2-Flag             | 1μg   |
| D2949-100μg | pcDNA3.1-ACE2-Flag             | 100μg |
| D2951-1μg   | pcDNA3.1-ACE2(1-615)-His       | 1μg   |
| D2951-100μg | pcDNA3.1-ACE2(1-615)-His       | 100μg |
| D2953-1μg   | pUC18-SARS-CoV-2-ORF1ab(168bp) | 1μg   |
| D2953-100μg | pUC18-SARS-CoV-2-ORF1ab(168bp) | 100μg |

Version 2021.10.28